

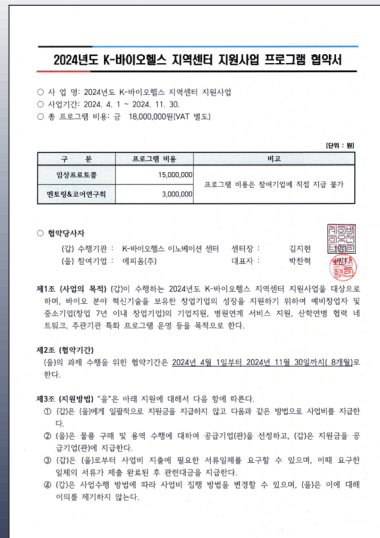
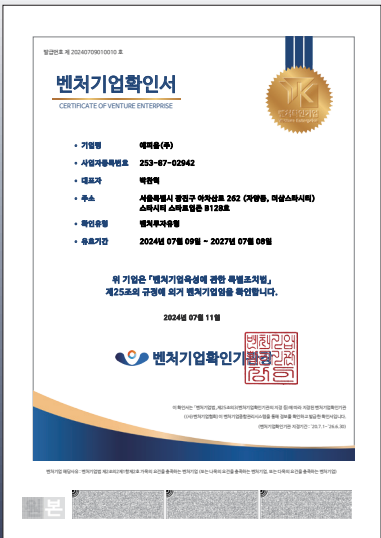
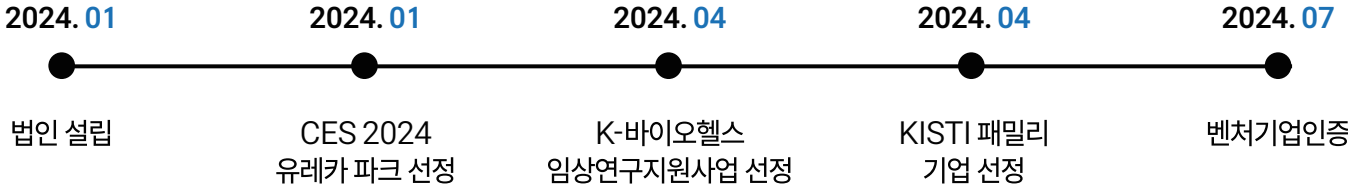


에피옴은 복잡한 NGS(Next-Generation Sequencing) 데이터를 효과적으로 분석하고, 연구자들이 데이터를 활용해 중요한 통찰을 얻을 수 있도록 돕고 있습니다. 저희는 NGS 데이터를 바탕으로 유전체 분석, 미생물 군집 분석 등 다양한 생물학적 정보를 제공하여, 연구의 정확성과 신뢰성을 높이는 데 주력하고 있습니다.

“단순한 데이터 분석에 그치지 않고, 고객님의 논문 및 보고서 작성에 적합한 형태로 결과 도출이 가능하도록 최선을 다해 도와드립니다.”

신뢰할 수 있는 생물정보학 분석 서비스를 통해 데이터의 가치를 극대화하고, 연구 성과를 한층 더 높여보세요.

저희는 여러분의 연구 성공을 위해 최상의 데이터 분석 서비스를 약속 드립니다.



이메일: support@epiome.io | 사이트: www.epiome.kr
주소: 서울특별시 광진구 아차산로 262 스타시티 B128호



“단순한 데이터 분석에 그치지 않고, 논문 및 보고서 작성에 가장 적합한 형태로 결과를 도출하실 수 있도록 최상의 지원을 약속 드립니다.”



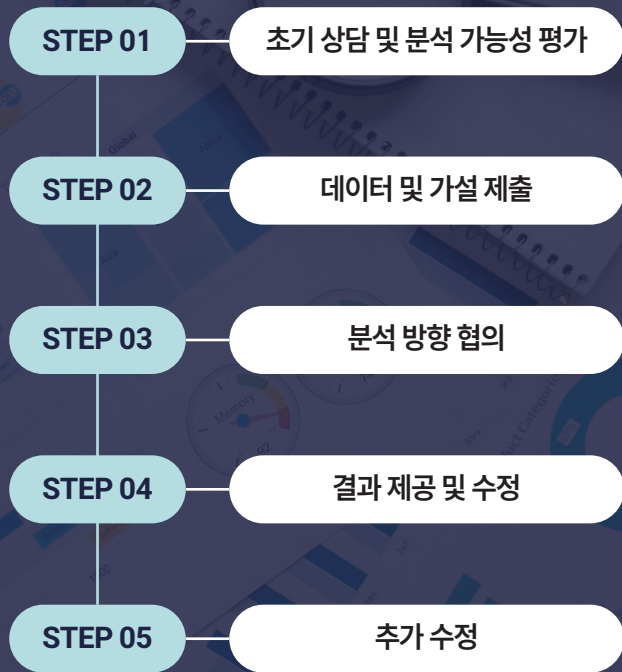
SERVICE

에피옴 분석 서비스만의 강점

- 1 **최신 트렌드 데이터 시각화**
최신 트렌드를 반영한 직관적 데이터 시각화를 제공합니다.
- 2 **맞춤형 분석 파이프라인**
고객 요구에 맞춘 최적화된 분석 파이프라인을 제공합니다.
- 3 **신속하고 유연한 수정 지원**
피드백에 신속히 대응하여 분석 결과를 수정 및 보완해드립니다.


PROCESS


서비스 진행절차 안내




ANALYSIS

분석 서비스 항목

- 

RNA Sequencing
차등 발현 유전자 분석 (DEGs)
유전자 기능 및 경로 분석 (Gene Ontology)
유전자 네트워크 분석 등
- 

Microbiome Sequencing
미생물 군집 구성 분석
다양성 분석 (알파 및 베타 다양성)
그룹별 분석 등
- 

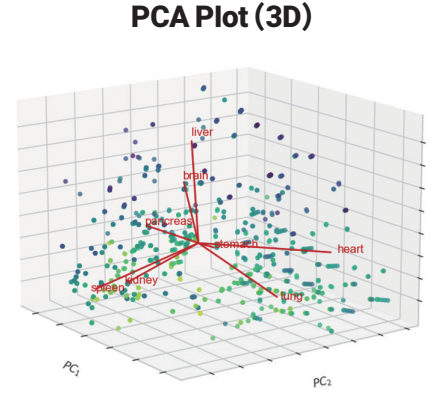
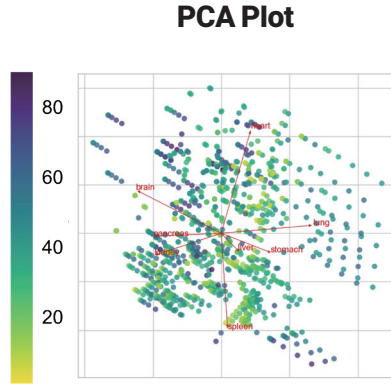
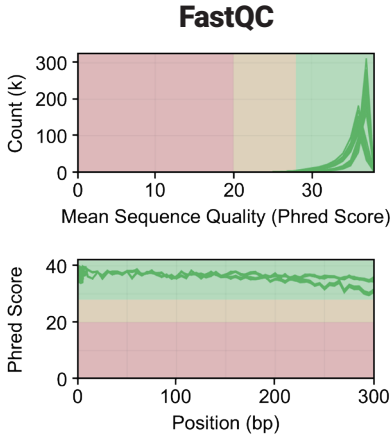
Public data Analysis
유사 연구 공개데이터 재분석
보유데이터 재분석



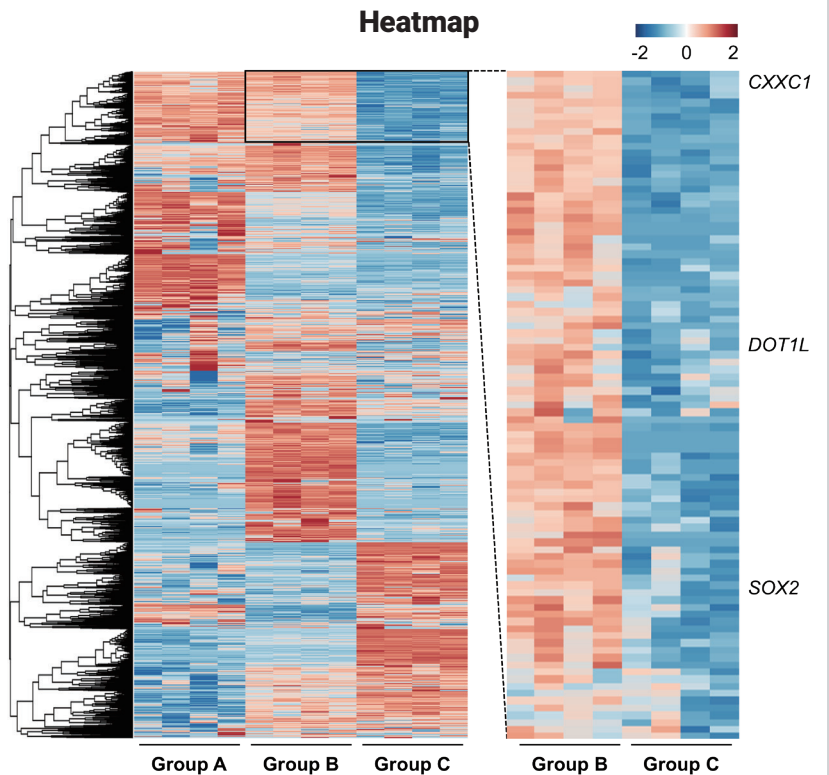
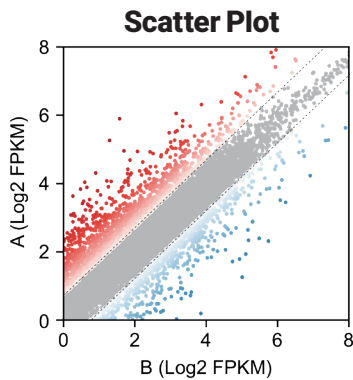
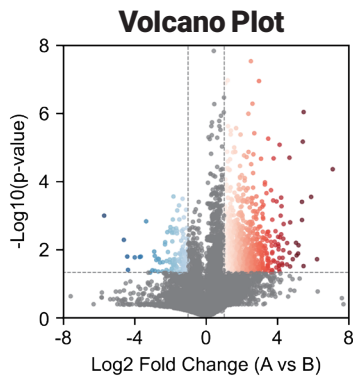
RNA Sequencing

결과물 예시

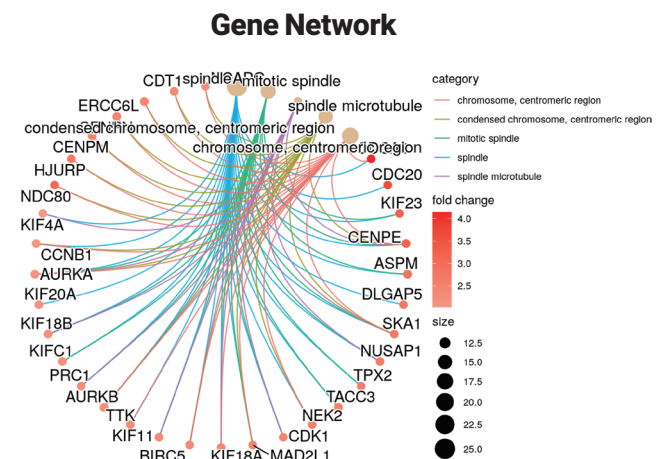
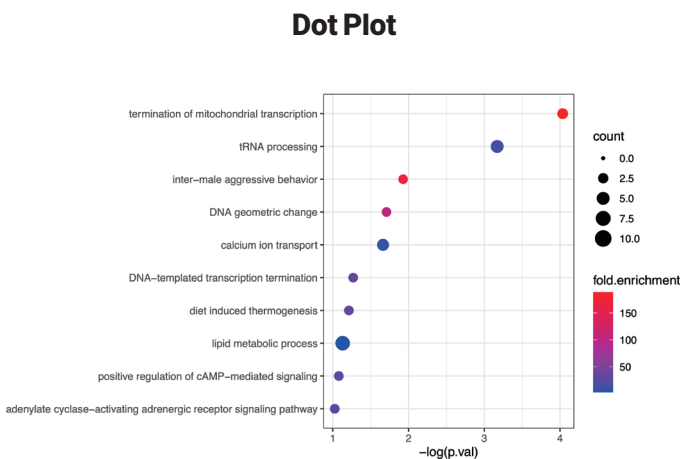
Data Quality Check



DEGs (Differentially expressed genes)



Gene Ontology Analysis

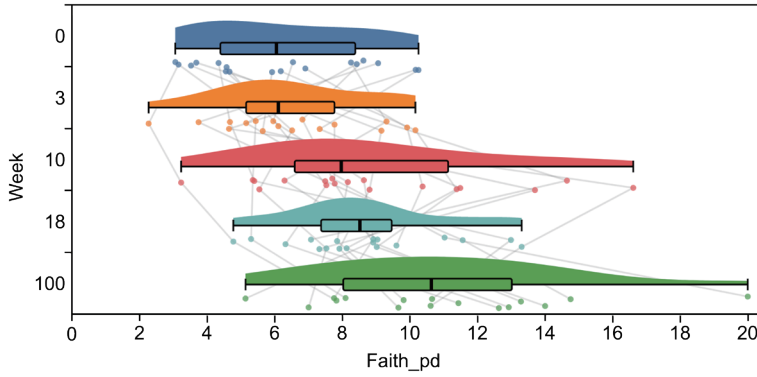


Microbiome Sequencing

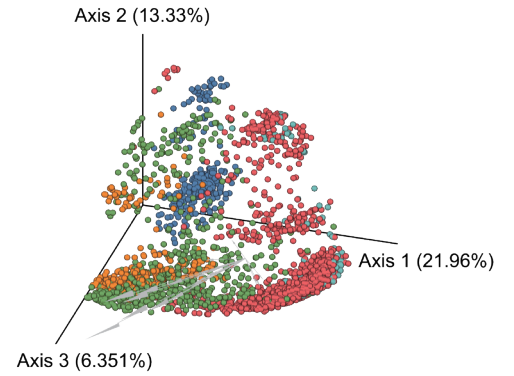
결과물 예시

Microbial Diversity Comparison

Alpha Diversity

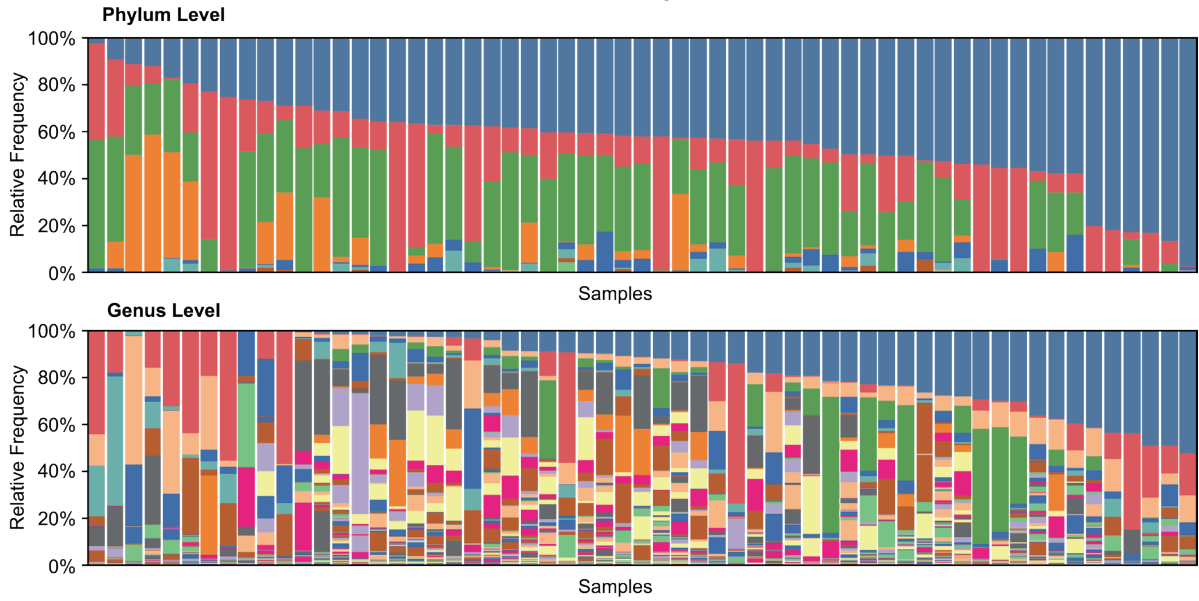


Beta Diversity



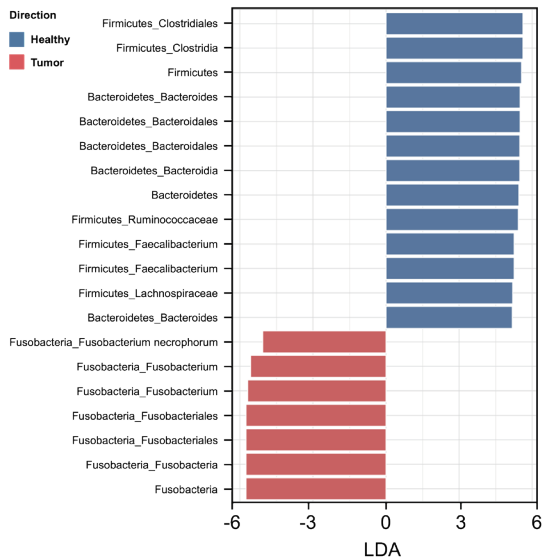
Microbial Taxonomy

Taxonomy Plots



LEfSe (Linear discriminant analysis Effect Size)

Linear Discriminant Analysis (LDA)



Cladogram

